

M13mp18 Restriction Map

M13mp18 - Phage cloning vector. See Ebright et. al. (1992)Gene 114,.
File ENZREF, From 1 to 7250, Minimum cuts 0, Maximum cuts 10

AatII	
AccI	6264
AflII	
AflIII	195 3618 3717
AlwI	1382 2221 6252 6253
Alw21I	4743 5465 6237
Alw44I	4743
AlwNI	2187
ApaI	
AscI	
AvaI	5825 6247
AvaII	5914
AvrII	
BamHI	6252
BanI	1249 5677 6001 6131 6243 6465 6477
BanII	5643 6237
BbsI	
BbvI	932 1367 2521 3132 4871 5536 5923 6052 6355 6428
BcgI	
BclI	
BglI	6431
BglII	6935
Bpu1102I	
BsaI	
BsaAI	1268 4446 5037 5462 5716
BsaHI	6001
BsaJI	2763 2894 5997 6136 6247 6248 6327 6617 6838
BseRI	2008
BsgI	
BsmI	1746
BsmAI	2013 2189 4036 5972 7017
BsmFI	5090 6529
Bsp1407I	1021
BspLU11I	195 3618 3717
BspMI	1113 2258 6268
BsrBI	4569 5431 5572 6185
BsrDI	5198 6913 7067
BssHII	
BssSI	
Bst1107I	
BstEII	
BstXI	
BstYI	2220 6252 6935
Cfr10I	5613
ClaI	2527 6882
CvnI	6508
DraI	189 472 4622 6784 7074
DraIII	5716

DrdI	5759							
DsaI	2763	6617						
EaeI	5080	6036	6293					
Eam1105I								
EarI	4074	6391						
Eco47III	2710	3039						
Eco57I								
Eco72I								
EcoNI								
EcoO109I								
EcoRI	6231							
EcoRII	1014	1966	5941	5998	6137	6328	6455	
EcoRV								
Esp3I	5971							
FokI	239	3547	6361	7244				
FseI								
FspI	6425							
GsuI	6493	6899						
HaeII	2710	3039	5559	5567	6001	6446		
HgaI	526	2164	2479	3237	4083	5158	6687	
HincII	6264							
HindIII	6282							
HpaI								
KpnI	6243							
Kpn2I								
MaeI	3827	5565	6259	6861	6979			
MamI	1149	3974						
McrI	1422	3879	6405	6521				
MluI								
MscI	5080							
MunI								
NarI	6001							
NciI	1924	6247	6248	6838				
NcoI								
NdeI	2723	3803	6846					
NgoAIV	5613							
NheI								
NotI								
NruI								
NsiI								
NspI	195	3531	3618	3717	6276	6856		
NspV								
NspBII	38	1631	5558					
PacI	4132							
PflMI								
PinAI								
PleI	2011	2845	4072	5329	5766	5788	6262	6904
PmeI								
PshAI								
Psp5II								
Psp1406I	4634	6773						
PstI	6270							
PvuI	6405							
PvuII	5960	6053	6375					
RcaI	1299							
RsrII								
SalI	6264							

SapI								
Sau3AI	1382	1714	2221	6253	6406	6502	6936	
Sau96I	5724	5914	5938	6396				
ScaI								
SduI	2088	4743	5465	5643	6237			
SexAI								
SfaNI	25	388	1354	3979	4850	6546	6559	
SfcI	205	1329	1751	2470	5495	6270	6673	
SfiI								
SgfI								
SgrAI								
SmaI	6247							
SnaBI	1268							
SpeI								
SphI	6276							
SrfI								
SseI	6269							
Sse8387I	6269							
SspI	499	2660	5023	5213	6767	6788		
SstI	6237							
SstII								
StuI								
StyI								
SunI								
SwaI	6783							
Tsp45I	1377	1775	2543	2621	2744	5111	5541	6314
TspRI	922	1786	2091	2106	4891	5350	6089	6290
Tth111I								
VspI	4131	4135	4238	4628	6046	6105	6966	
XbaI	6258							
XcmI								
XhoI								
XmaIII								
XmnI	357	2646						