

858 GAAATTAATA CGACTCACTA TAGGGAGACC CAAGCTGGCT AGTTAAGCTT GATCAAACAA
CTTTAATTAT GCTGAGTGAT ATCCCTCTGG GTTCGACCGA TCAATTCGAA CTAGTTTGTT

921 2603

918 GTTTGTACAA AAAAGCAGGC TN----- NAC CCA GCT TTC TTG TAC AAA GTG
CAAACATGTT TTTTCGTCCG AN----- NTG GGT CGA AAG AAC ATG TTT CAC

attB1 attB2

2628 3347

Val Arg Ser Arg MET ***

2616 GTT CGA TCT AGA ATG TAA TGAATTAAAC CCGCTGATCA
CAA GCT AGA TCT TAC ATT ACTTAATTTG GCGACTAGT

GFP 'cycle 3 mutant'